

UNIVERSIDAD DE LAS FUERZAS ARMADAS ESPE



DEPARTAMENTO DE CIENCIAS DE LA VIDA Y DE LA AGRICULTURA CARRERA DE BIOTECNOLOGÍA

Desarrollo de un sistema de vector binario de Agrobacterium tumefaciens para la edición del promotor del gen RGA2 de banano

Estudiante: Dustin Adrián Pachala Ortiz **Tutor:** Ing. Francisco Flores Flores Ph. D

Sangolquí, 8 de marzo de 2024

INTRODUCCIÓN

Formulación del problema

El banano (*Musa* sp.) es un cultivo de gran importancia económica a nivel mundial, pero enfrenta desafíos fitopatológicos, como el hongo *Fusarium oxysporum* f. sp. cubense raza 4 FOC R4T, causante de fusariosis.

Justificación

Este proyecto se enfoca en desarrollar un sistema de vector binario de *Agrobacterium tumefaciens* para editar el promotor del gen RGA2 del banano, relacionado con la resistencia al hongo FOC R4T. (Martínez et al., 2020; Dale et al., 2017).



Fig 1. Importancia del banano. Tomado de: Primicias – Iniap 2022



OBJETIVOS

General

- Desarrollar un sistema de vector binario de *Agrobacterium tumefaciens* para la edición del promotor del gen RGA2 de banano.

Específicos

- Transformar Agrobacterium tumefaciens con un plásmido que contiene el sistema CRISPR-Cas9 para la edición del promotor del gen RGA2, asociado con la resistencia a la fusariosis en banano.
- Confirmar la presencia de la región promotora del gen RGA2, en el germoplasma de diferentes variedades de banano.
- Estandarizar un protocolo óptimo para la conservación de Agrobacterium transformada.



HIPÓTESIS

Existen diferencias significativas en la eficiencia de transformación de *Agrobacterium tumefaciens* en los dos métodos aplicados.



Fusarium oxysporum f. sp. cubense raza 4 (FOC R4T)

FOC R4T se propaga rápidamente, destruyendo extensas plantaciones de banano. La principal amenaza radica en la necrosis del huésped, manifestada por la decoloración vascular, amarillamiento y posterior necrosis en raíces y pseudotallo (Florencio et al., 2023; Martínez et al., 2020).



Fig 2. Síntomas de FOC R4t. Tomado de: América economía.



Fig 3. Síntomas de FOC R4t. Tomado de: Herbario Virtual Fitopatología.



Susceptibilidad al banano

La capacidad de FOC R4T para producir clamidosporas, estructuras resistentes, dificulta su identificación en los cultivos de banano.



Fig 4. Clamidosporas de FOC R4t. Tomado de: Parada et al. (2023)

Gen RGA2

Peraza et al. (2008) identificaron los genes:

- RGC,
- RGC2
- RGC3
- RGC4
- RGC5

Entre ellos, RGC2 mostró un polimorfismo transcripcional altamente correlacionado con la resistencia.



Métodos de transformación

Choque térmico

Electroporación



Fig 5. Choque térmico. Elaborado por: Pachala Dustin (2024)

Fig 6. Electroporación. Elaborado por: Pachala Dustin (2024)



Agentes crioprotectores

Glicerol



Fig 7. Estructura glicerol. Elaborado por: Pachala Dustin (2024)

Altera	el	patrón	de
cristaliza	ación	en	la
formación		de	hielo
extracel	ular.		

Dimetilsulfóxido (DMSO)

O ∥ H₃C^{−S}−CH₃

Fig 8. Estructura DMSO. Elaborado por: Pachala Dustin (2024)

Reviste las células de los cultivos bacterianos.

Polietilenglicol



Fig 9. Estructura polietilenglicol. Elaborado por: Pachala Dustin (2024)

Agente no penetrante que recubre las células.



Extracción de ADN Plasmídico



Fig 10. Protocolo de extracción de plásmido. Elaborado por: Pachala Dustin (2024)



Extracción de ADN de banano



Fig 11. Protocolo de extracción de ADN de banano. Elaborado por: Pachala Dustin (2024)



Diseño de primers

Primer Bac Reverse	Secuencia 5´- CCTTCATGCGTTCCCCTTGC– 3´	%GC 60	TM 64.8°C	Fig 12. Plataforma Benchling. Tomado de Benchling.
Cas 9 Forward	5´-ATACGTCCACCAAGGAGGTT– 3´	50	61°C	Pfol,PaqCI,Stul,BbvCI,BstXI,SacII Pasi AloI,Bsm8I,Esp3I
ARN guía Forward	5'-ATTCCCGGCTGGTGCAACAA- 3'	55	65	Basell Mrui Abdi Fspal BstEll Kasi, Hari, Sfol, PluTi BstOP, Brol BstOP, Bro
Primer	Secuencia	%GC	TM	Root PaeR77, Til, Root Esp31, PaeCI, FupAI, SphI, SacII, SphI, Acc651, Korl, SeeI, +2 Xinal, SeaI, SerI, SeaI, SeaI, SeaI, SeaI, SeaI, Xinal, SeaI, SeaI, SeaI, SeaI, SeaI, SeaI, Xinal, SeaI, SeaI, SeaI, SeaI, SeaI, SeaI, Xinal, SeaI, SeaI, SeaI, SeaI, SeaI, SeaI, TspMI
Forward	5' - AGAGAGATTTCATATGTTGTCACA – 3'	33	<u>54.9 °C</u>	Fig 13 Primers en Benchling Tomado de
Reverse	5'- TCTCTGATGGCAAATAGTGGGA – 3'	45	60.5 °C	Benchling.



Parámetros PCR y confirmación

Reactivos	Cantidad (uL)
2X BlastTaq [™] PCR Master Mix	12.5 uL
Agua libre de nucleasas	9.5 uL
Primer Forward	1 uL
Primer Reverse	1 uL
DNA	1 uL

Proceso	Tiempo	Temperatura °C
Densaturalización	3 min	95
	15 sec	95
35 ciclos	15 sec	58.9
	23 sec	72
Extensión final	1 uL	72

Proceso	Tiempo	Temperatura °C
Desnaturalización	3 min	95
	15 sec	95
35 ciclos	15 sec	53.7
	8 sec	72
Extensión final	1 uL	72



Métodos de transformación Choque térmico





Métodos de transformación **Electroporación**

Protocolo Células electrocompetentes Se añadió 5 ug a Se descartó Se transfirió a Se ejecutó a Se sembró Se retiró Se sembró mL de Se transfirió la Se centrifuaó de ADN por 20 sobrenadante. 2500 V ene el tumefaciens tumefaciens en de celda suspesión suspensión а 2500 rpm plasmídico. celdas medio líquido medio sólido bacteriana en 50 tubos falcon min a 4°C 2mm y 4 mm electroporador electroporador mL de medio líqui. Se conservó a -80°C centrifugó a Se añadió 10 mL Se transfirió 100 Se descartó Se Se sembró 25 uL de Se transfirió a 2500 rpm Se incubó a temperatura ul en tubos de se 20 de glicerol al 10% sobrenadante V por 1.5 ml añadió de min a 4°C dilución 1/10000 de la 1 mL ambiente en agitación 100 uL de glicerol al 10% constante (200 rpm). medio SOC suspención bacteriana

Fig 16. Preparación de células electrocompetentes. Elaborado por: Pachala Dustin (2024)

Fig 17. Protocolo electropoación. Elaborado por: Pachala Dustin (2024)



la

del

MATERIALES Y MÉTODOS Métodos de Crioconservación



Fig 19. Protocolo crioconservación al 20%. Elaborado por: Pachala Dustin (2024)



Diseño experimental – Eficiencia de transformación

N°	Tratamiento
TC1	Choque térmico con 3 ug de ADN plasmídico
TC2	Choque térmico con 5 ug de ADN plasmídico
TE1	Electroporación con celda de 2 mm
TE2	Electroporación con celda de 4 mm

Hipótesis Nula: $\mu_1 = \mu_2 = \mu_3$

No existe diferencia significativa en la media de la eficiencia de transformación.

Hipótesis Alternativa: $\mu_1 \neq \mu_2 \neq \mu_3$

Existe diferencia significativa en la media de la eficiencia de transformación.

 $Y_{ij} = \mu + c_i + \varepsilon_{ij}$

 Y_{ij} = Eficiencia de transformación

 μ = Media de la eficiencia de transformación (CFU/ug)

 c_i = efecto del i-ésimo tratamiento para la transformación de *A. tumefaciens*

 ε_{ij} = Error experimental asociado a la j-enésima unidad experimental.



Fig **21**. Plataforma Infostat. Tomado de infostat.



Diseño experimental – Viabilidad de crioconservación

Tratamiento	Tratamiento	Tratamiento			
T1	T2	ТЗ			
Glicerol	DMSO	Polietilenglicol			
	10 %				
Tratamiento	Tratamiento	Tratamiento			
T4	T5	Т6			
Glicerol	DMSO	Polietilenglicol			
20 %					

Hipótesis Nula: $\mu_1 = \mu_2 = \mu_3$

No existe diferencia significativa en la media Existe diferencia significativa en la media de la viabilidad de crioconservación.

Hipótesis Alternativa: $\mu_1 \neq \mu_2 \neq \mu_3$

de la viabilidad de crioconservación.

 $Y_{ii} = \mu + c_i + \varepsilon_{ii}$

 Y_{ij} = Viabilidad de crioconservación.

 μ = Media de la eficiencia de crioconservación. CFU

 c_i = efecto del i-ésimo tratamiento para la crioconservaciónn de A. tumefaciens

 ε_{ii} = Error experimental asociado a la j-enésima unidad experimental.



22. Plataforma Fia Infostat. Tomado de infostat.



Extracción de ADN plasmídico

Muestra	Concentración	Pureza	Pureza	Muestra	Concentración	Pureza	Pureza
	(ug/mL)	(A260/280)	(A260/230)		(ug/mL)	(A260/280)	(A260/230)
Top 10 - T1	2378	2,132	1,965	Top 10 - Tt1	2859,3	1,964	2,137
Тор 10 - Т2	2423	2,033	2,279	Top 10 - Tt2	3056	1,839	2,245
DH5α - D1	115,7	1,096	1,896	Top 10 - Tt3	2256,2	2,219	2,034
DH5α - D2	143,6	1,304	1,637	Top 10 - Tt4	2365,3	2,042	1,968
JM109 - J1	1957	2,032	2,364	Top 10 - Tt5	2459	1,997	1,893
JM109 - J2	1471	2,196	2,362	Top 10 - Ts1	3158,1	2,139	2,101
				Top 10 - Ts2	2365	1.975	2.195

Top 10 - Te1

3087.2

2,164

En el caso de la cepa JM109, se observa que el plásmido experimenta degradación durante la aplicación de métodos de transformación, lo que impide su expresión al amplificar ADN. En contraste, la cepa Top 10 no muestra degradación del plásmido en el ADN durante estos procedimientos (Yang, 2012).



1,963

Comprobación de la presencia de la región promotora que contiene el gen RGA2



Fig 23. Electroforesis de ADN plasmídico. Tomado por: Pachala Dustin (2023) Según Yang (2012), la expresión de plásmidos en cepas de E. coli puede verse afectada según la cepa y el tamaño del plásmido transformado. Según la investigación de Yang et al. (2016), RGA2 amplifica 1523 pb.



Extracción de ADN de banano

Muestra	Concentración	Pureza	Pureza (A260/230)	
	(ug/mL)	(A260/280)		
BD1	758,4	2,013	1,665	
BD2	563,6	2,236	1,596	
BM1	1554,8	1,863	1,657	
BL1	1468	1,849	1,733	

Según la investigación de Yang et al. (2016), la región promotora que contiene el gen de resistencia de banano RGA2 para FOC R4T debe amplificar 426 pb aproximadamente.



Fig 24. Electroforesis de confirmación de la región de interés en ADN de banano. Tomado por: Pachala Dustin (2023)



Extracción de ADN de banano

Muestra	Concentración	Pureza	Pureza (A260/230)	
	(ug/mL)	(A260/280)		
BD1	758,4	2,013	1,665	
BD2	563,6	2,236	1,596	
BM1	1554,8	1,863	1,657	
BL1	1468	1,849	1,733	

Según la investigación de Yang et al. (2016), la región promotora que contiene el gen de resistencia de banano RGA2 para FOC R4T debe amplificar 426 pb aproximadamente.



Fig 24. Electroforesis de confirmación de la región de interés en ADN de banano. Tomado por: Pachala Dustin (2023)



Eficiencia de transformación – Choque térmico

Tratamientos	Repetición	Plásmido	# de	CFU (cfu/ml)	ET (cfu/ug)
		(ug)	colonias		
TC1	1	3	162	64800000	78072289,2
TC1	2	3	173	69200000	8337349,4
TC1	3	3	179	71600000	86265060,2
TC2	1	5	164	65600000	79036144,6
TC2	2	5	153	61200000	73734939,8
TC2	3	5	217	86800000	104578313



Fig 25. Cepas de *A. tumefaciens* transformadas por choque térmico. Tomado por: Pachala Dustin (2023)



Eficiencia de transformación – Electroporación

Tratamientos	Repetición	Celda (mm)	# de	CFU (cfu/ml)	ET (cfu/ug)
			colonias		
TE1	1	2	270	108000000	216000000
TE1	2	2	263	105200000	210400000
TE1	3	2	282	112800000	225600000
TE2	1	4	245	98000000	118072289
TE2	2	4	313	125200000	150843373
TE2	3	4	264	105600000	12722891,6



Fig 26. Cepas de *A. tumefaciens* transformadas por Electroporación. Tomado por: Pachala Dustin (2023)



Comprobación de transformación

Concentración	Pureza (A260/280)	Pureza (A260/230)
(ug/mL)		
1268	2,115	2,056
980,3	2,087	1,931
1339,7	2,163	1,784
1279	1,971	1,867
	Concentración (ug/mL) 1268 980,3 1339,7 1279	Concentración Pureza (A260/280) (ug/mL) 1268 2,115 1268 2,087 1339,7 2,163 1279 1,971 1,971

Sin embargo, no todas las cepas en medio con tetraciclina contienen el fragmento de interés, ya que la tetraciclina no indica su presencia. Además, mutaciones inespecíficas pueden resultar en cepas transformadas que crecen en medio con tetraciclina pero no contienen el fragmento deseado (Luo & Farrand, 1999).



Fig 29. Electroforesis de confirmación de transformación. Tomado por: Pachala Dustin (2023)



Eficiencia de transformación

Análisis de la varianza								
Variable N	R° R° Aj C	v						
ET 12 (0,75 0,66 37	,78						
Cuadro de Ana	álisis de la '	Varianza	(S	C tipo	111)		
F.V.	SC		gl			CM	F	p-valor
Modelo	451918610689	41500,00	3	150639	536	89647200,00	8,17	0,0081
Tratamientos	451918610689	41500,00	3	150639	536	89647200,00	8,17	0,0081
Error	147462990355	34200,00	8	18432	873	79441770,00		
Total	599381601044	75700,00	11					
Test:Tukey Al	lfa=0,05 DMS=	11225868	8,34	4202				
Error: 184320	87379441769,2	500 gl:	8					
Tratamientos	Medias	n E	.е.					
TE1	217333333,33	3 2478	768	0,94 A				
TE2	93879517,87	3 2478	768	0,94	в			
TC2	85783132,47	3 2478	768	94	в			
TC1	57558232,93	3 2478	768	0,94	в			
Medias con una	letra común no) son sign	ifi	ativame	nte	diferentes (p	> 0,	05)

Fig **27**. ANOVA de eficiencia de transformación. Tomado por: Pachala Dustin (2023)



Fig 28. Gráfico de barras de eficiencia de transformación. Tomado por: Pachala Dustin (2023)



La eficiencia de transformación fue de 8.6x10^7 CFU/ug con 5 ug de ADN plasmídico en el choque térmico, mientras que en la electroporación con celdas de 2 mm y 5 ug de ADN plasmídico fue de 2.1x10^8 CFU/ug. En comparación con estudios previos, la electroporación demostró ser más efectiva que el choque térmico para transformar cepas de *A. tumefaciens*.

Comparando los métodos de transformación genética, se destacan diferencias significativas en la eficiencia, como el voltaje en electroporación y el tiempo de cambios de temperatura en choque térmico. Gómez et al. (2018) sugiere que la electroporación, al ofrecer un mejor control en la permeabilidad de la membrana, es más efectiva en la introducción de material genético en células, atribuyendo su eficacia al voltaje aplicado. Aunque el choque térmico es más práctico, García (2015) señala su menor efectividad debido a la estructura de tres capas en la pared celular de *A. tumefaciens*, que limita la formación de poros para la entrada de ADN plasmídico.



Viabilidad de crioconservación

Tratamientos	Repetición	# de	CFU	Tratamientos	Repetición	# de	CFU
		colonias	(cfu/ml)			colonias	(cfu/ml)
T1	1	226	90400000	Τ4	1	216	86400000
T1	2	257	102800000	Τ4	2	237	94800000
T1	3	239	95600000	Τ4	3	251	100400000
T2	1	296	118400000	Т5	1	257	102800000
T2	2	267	106800000	Т5	2	285	114000000
Τ2	3	253	101200000	Т5	3	246	98400000
Т3	1	135	54000000	Т6	1	133	53200000
Т3	2	158	63200000	Т6	2	149	59600000
Т3	3	162	64800000	Т6	3	106	42400000



Viabilidad de crioconservación



Fig 30. Viabilidad de crioconservación en glicerol. Tomado por: Pachala Dustin (2023)



Fig 31. Viabilidad de crioconservación en DMSO. Tomado por: Pachala Dustin (2023)



Fig 32. Viabilidad de crioconservación en polietilenglicol. Tomado por: Pachala Dustin (2023)



Viabilidad de crioconservación

nálisis de la varianza
ariable N R ^c R ^c Aj CV
10 10 0, 93 0, 90 0, 74
uadro de Análisis de la Varianza (SC tipo III)
F.V. SC gl CM F p-valor
odelo 85998666666666670,00 5 1719973333333330,00 30,39 <0,0001
ratamientos 85998666666666670,00 5 1719973333333330,00 30,39 <0,0001
rror 67925333333333,00 12 5660444444444,40
otal 927912000000000,00 17
est:Tukey Alfa=0,05 DMS=20633809,14522
rror: 566044444444444,4141 gl: 12
ratamientos Medias n E.E.
2 108800000,00 3 4343748,17 A
5 105066666,67 3 4343748,17 A
1 96266666,67 3 4343748,17 A
4 93866666,67 3 4343748,17 A
3 606666666,67 3 4343748,17 B
6 51733333,33 3 4343748,17 B
edias con una letra común no son significativamente diferentes (p $>$ 0,05)

Fig 33. ANOVA de viabilidad de crioconservación. Tomado por: Pachala Dustin (2023)



Fig 34. Gráfico de barras de viabilidad de crioconservación. Tomado por: Pachala Dustin (2023)



En el análisis estadístico de la viabilidad de crioconservación, se encontró que el DMSO al 10% de concentración, crioconservado durante 2 meses, fue el agente crioprotector más eficiente según las CFU calculadas, superando al Glicerol y al polietilenglicol. Se identificaron diferencias significativas entre los tratamientos y los agentes crioprotectores.

Investigaciones previas, como la de Ozuna et al. (2019), respaldan que el DMSO en concentraciones de 12,5% a 25% actúa mejor que el glicerol como agente crioprotector. Aunque el glicerol es menos tóxico, el DMSO penetra mejor en la célula, lo que contribuye a una mejor crioconservación (Farrant, 1980). Ahn et al. (2021) informa que tanto el DMSO como el glicerol son eficientes como agentes crioprotectores en comparación con el polietilenglicol, y sugiere la posibilidad de combinarlos con otros agentes para mejorar su efectividad.



CONCLUSIONES

La extracción de ADN plasmídico es esencial en la transformación genética para prevenir contaminantes y fenoles que podrían interferir en el proceso. En este estudio, se seleccionaron plásmidos de la cepa Top 10 de *E. coli* debido a su concentración más alta y mejor pureza en comparación con otras cepas utilizadas.

La transformación bacteriana utilizando un plásmido CRISPR-Cas con ARN guía dirigido a la región promotora del gen RGA2 fue exitosa mediante dos métodos establecidos. Se observaron diferencias significativas entre los métodos, destacando la electroporación como más efectiva que el choque térmico.

Se confirmó la eficacia de los agentes crioprotectores, especialmente el DMSO, para preservar la viabilidad de cepas de A. tumefaciens, transformadas y no transformadas. Aunque el glicerol mostró menor viabilidad en comparación con el DMSO, sigue siendo una opción viable para la conservación de cepas.



RECOMENDACIONES

Al realizar los diseños de primers in silico, se debe tener en cuenta las condiciones a las que se trabajará. Mantener una temperatura de melting entre 45°C - 55°C y un contenido de CG% entre 40% - 50% para que sea más estable al ejecturarse la PCR. Además, se debe considerar un tamaño de los primers entre 18 pb a 25 pb.

Se debe ser aséptico en toda el área de trabajo y todos los procesos ejecutados para obtener resultados favorables, ya que, si existe una contaminación desde la extracción del plásmido, las cepas transformadas pueden estar contaminadas.



REFERENCIAS BIBLIOGRÁFICAS

Ahn, H. T., Jang, I. S., Dang, T. V., Kim, Y. H., Lee, D. H., Choi, H. S., . . . Kim, M. I. (2021). Effective Cryopreservation of a Bioluminescent Auxotrophic Escherichia coli-Based Amino Acid Array to Enable Long-Term Ready-to-Use Applications. Biosensors, 11(8), 252. doi:10.3390/bios11080252

Farrant, J. (1980). General observations on cell preservation. Preservation in Medicine and Biology. Pitman Medical., 1-18.

Florencio, J., Alarcón, A., García, C., Ferrera, R., Quezada, A., Almaraz, J., . . . Hernández, L. (2023). Inhibición in vitro de bacterias contra Fusarium oxysporum f. sp. cubense raza 2. Revista mexicana de fitopatología, 41(1), 126-142. doi:10.18781/r.mex.fit.2207-2

Luo, Z., & Farand, S. (1999). Cloning and Characterization of a Tetracycline Resistance Determinant Present in Agrobacterium tumefaciens C58. J Bacteriol, 181. doi:doi.org/10.1128/jb.181.2.618-626.1999

Martínez, G., Rey, J., Pargas, R., & Manzanilla, E. (2020). Marchitez por Fusarium raza tropical 4: Estado actual y presencia en el continente americano. Agronomía Mesoamericana, 31(1), 259-276. doi:10.15517/am.v31i1.37925

Yang, J., & Yang, Y. (2012). Plasmid size can affect the ability of Escherichia coli to produce high-quality plasmids. 34(11), 2017-2022. doi:10.1007/s10529-012-0994-4

Yang, C., Hamid, S., & Wong, M. (2016). Characterisation of pathogenesis-related genes and resistance gene candidates in banana (Musa acuminata) and their expression during host-pathogen interaction. Pertanika Journal of Tropical Agricultural Science, 39 (1), 55-72.





