

RESUMEN

Los primates no humanos (PNH) son especies que viven en grupos sociales, desarrollando interacciones que podrían facilitar la transmisión de patógenos. Para explicar la relación entre las actividades sociales y la transmisión de parásitos gastrointestinales puede emplearse el enfoque del análisis de redes sociales (ARS). Por otra parte, la identificación molecular de *Giardia* sp. en PNH provee información epidemiológica de la infección en áreas endémicas. Durante marzo del 2017, se tomaron 144 horas de observación de comportamientos en un grupo de 9 individuos de *Cebus albifrons* de la localidad de Misahualli. Al mismo tiempo, se colectaron tres fecas por individuo las cuales fueron conservadas para análisis coprológicos. Para la identificación molecular de *Giardia* sp. se colectaron 48 muestras durante tres diferentes períodos (2012, 2017 y 2018). Se identificaron dos parásitos gastrointestinales: *Strongyloides* sp. e *Hymenolepis* sp. y mediante, el Análisis de Redes Sociales, se estableció una relación entre la riqueza de parásitos y los individuos más centrales. Además se encontró que *Strongyloides* sp. fue el único parásito que se transmitió efectivamente dentro de toda la red. La prevalencia de *Giardia* sp. fue de 61.2 % y todos los aislados provenientes de la población de *Cebus albifrons* fueron identificados como genotipo B. La población de vida libre de *Cebus albifrons* de Misahuallí presenta parásitos como nemátodos, céstodos y protozoarios y se requiere de un plan de manejo para evitar la antropozoonosis y una posible transmisión zoonótica.

Palabras clave:

- **ANÁLISIS DE REDES SOCIALES.**
- *Cebus albifrons.*
- *Giardia* sp.

ABSTRACT

Non-human primates (NHP) are species that live in social groups, performing several interactions that could enable pathogen transmission. The social network analysis (SNA) approach can be employed in order to explain the relationship between social activities and the transmission of gastrointestinal parasites. Otherwise, the molecular identification of *Giardia* sp. in NHP provides epidemiological information of infection in endemic areas. During March 2017, we collected a total of 144 hours of observation and three fecal samples per individual, for coprological analyzes of 9 individuals of *Cebus albifrons*. For the molecular identification of *Giardia* sp. We collected 48 fecal samples during three different periods (2012, 2017, 2018). We identified two gastrointestinal parasites: *Strongyloides* sp. and *Hymenolepis* sp. Through SNA, we established a relationship between the richness of parasites and the most central individuals and *Strongyloides* sp. transmitted effectively within the social network. Moreover, the average prevalence of *Giardia* sp. during the years of the study, was 61.2 %; and all the isolates obtained were identified as genotype B. *Cebus albifrons* from Misahualli are parasited with nematodes, cestodes and protozoans and require control measures to protect their health and avoid a possible zoonotic transmission.

Keywords:

- **SOCIAL NETWORK ANALYSIS**
- *Cebus albifrons*.
- *Giardia* sp.