

Resumen

El cultivo de maracuyá se ha visto afectado por varios agentes patógenos. De estos los hongos son considerados de alto riesgo ya que una vez infectado el cultivo no pueden ser eliminados y su control se basa en métodos de prevención, razón por la cual es indispensable conocer los hongos que se encuentran afectando a las plantaciones. En este estudio se realizó el aislamiento de hongos del tallo de maracuyá con síntomas de pudrición de cuello, procedentes de cultivos ubicados en las provincias de Los Ríos, Guayas y Santo Domingo de los Tsáchilas. La identificación de los aislamientos se lo hizo en base a la secuenciación de la región ITS usando los primers ITS1/ITS4 y se confirmó mediante la observación microscópica de las estructuras vegetativas y reproductivas. Se obtuvieron un total de 22 aislados de los cuales cuatro se identificaron como *Fusarium solani*, que se conoce es el agente causal de la pudrición de cuello en maracuyá. Se lograron aislar tanto hongos endófitos como patógenos se agruparon en 7 géneros *Fusarium* (12 aislados), *Diaporthe* (cuatro aislados), *Lasiodiplidia* (dos aislados), *Neurospora* (un aislado), *Clonostachys* (un aislado), *Trichoderma* (un aislado) y *Xylogone* (un aislado). Este estudio permite aumentar el conocimiento del microbiota en maracuyá, y se puede usar como base para el desarrollo de métodos de prevención y control de esta enfermedad.

Palabras clave:

- MARACUYÁ
- PUDRICIÓN
- HONGOS
- ITS
- GÉNEROS

Abstract

The passion fruit crop has been affected by several pathogens. Of these, fungi are considered high risk because once the crop is infected, they cannot be eliminated and their control is fundamental based on prevention methods, which is why it is essential to know the fungi that are affecting the plantations. In this study, isolation of passion fruit stem fungi with symptoms of neck rot was carried out from crops located in the provinces of Los Ríos, Guayas and Santo Domingo de los Tsáchilas. Isolates were identified based on sequencing of the ITS region using the ITS1/ITS4 primers and confirmed by microscopic observation of vegetative and reproductive structures. A total of 22 isolates were obtained, of which four were identified as *Fusarium solani* which is known to be the causal agent of root rot in passion fruit. Both endophytic and pathogenic fungi were isolated, which were grouped into 7 genera *Fusarium* (12 isolates), *Diaporthe* (four isolates), *Lasiodiplidia* (two isolates), *Neurospora* (one isolate), *Clonostachys* (one isolate), *Trichoderma* (one isolate) and *Xylogone* (one isolate). This study increases the knowledge of the microbiota in passion fruit, and can be used as a basis for the development of methods for prevention and control of this disease.

Key words:

- PASSION FRUIT
- ROT
- FUNGI
- ITS
- GENERA