

RESUMEN

La alta demanda de materiales genéticos en el cultivo de cacao (*Theobroma cacao* L.), requeridos para la renovación, rehabilitación e implementación de nuevas plantaciones ha dado origen al aumento de centros de propagación de esta especie, los mismos que no cumplen con criterios técnicos calificados especialmente en procesos de multiplicación clonal. En estas condiciones la certificación de viveros para material de propagación se realiza en base a características fenotípicas, sin autenticación de genotipos. Con estos antecedentes se propuso el uso de marcadores moleculares microsatélites de selección estable, identificando individuos de cacao Nacional “Fino de Aroma”. En este estudio se utilizaron 17 SSRs para obtener la identidad genética de 31 accesiones incluyendo las recomendadas por INIAP. Para la asignación de pesos moleculares de los productos amplificados se empleó la técnica de migración mediante corrida electroforética en geles de poliacrilamida, los resultados fueron revelados en tinción con nitrato de plata y fluorescencia en un sistema semiautomatizado. Los análisis multivariados aplicados a los genotipos en estudio, revelaron la existencia de cinco grupos: EET, SNA, CCN, ESS y AIS. Los genotipos EET formaron un grupo diverso, para el cual no se encontraron alelos específicos, con excepción del alelo de 289pb, en el locus mTcCIR 22 del genotipo EET-19. Por tal motivo, se seleccionó en base a frecuencias alélicas marcadores microsatélites que diferencien al grupo de los genotipos EET, siendo estos: mTcCIR 6, mTcCIR 12, mTcCIR 24 y mTcCIR 58. Los marcadores seleccionados permitieron identificar clones fuera de tipo en diferentes sistemas de propagación asexual. Con lo cual el presente estudio ha hecho contribuciones importantes para determinar la estructura y singularidad genética del cacao.